

BAB 5

PENUTUP

5.1 Simpulan

Berdasarkan laporan penelitian yang berjudul Analisis Akurasi Data Protein Virus SARS-CoV-2 dengan Menggunakan Metode *Data mining*, dapat disimpulkan:

1. Pencarian akurasi pada kumpulan data yaitu menggunakan algoritma model klasifikasi Naïve Bayes dan J48 dengan *10-fold cross-validation* untuk melakukan *data mining* dengan aplikasi WEKA pada kumpulan data SARS-CoV-2 yang diambil melalui *website* NCBI.
2. Hasil penelitian dalam memprediksi protein pada kumpulan data SARS-CoV-2 menggunakan model klasifikasi Naïve Bayes dengan akurasi prediksi sebesar 88.8% dan J48 dengan akurasi prediksi sebesar 92.6%. Mengenai kinerja antara model klasifikasi Naïve Bayes dan J48 menunjukkan kinerja model Naïve Bayes memiliki nilai akurasi yang lebih rendah tetapi dalam pembuatan model klasifikasinya lebih cepat dibandingkan model J48 yang memiliki akurasi lebih tinggi namun, membutuhkan waktu yang lebih lama dalam proses pembuatan model

5.2 Saran

Saran mengenai penelitian ini untuk peneliti selanjutnya berupa:

1. Menambahkan kelas untuk kumpulan data sehingga dapat menguji prediksi dengan kelas yang lebih kompleks.
2. Menggunakan metode algoritma selain Naïve Bayes dan J48 untuk model klasifikasi.
3. Menambahkan data uji pada tahap pengujian data sehingga dapat menguji kinerja model klasifikasi jika data ujinya banyak.