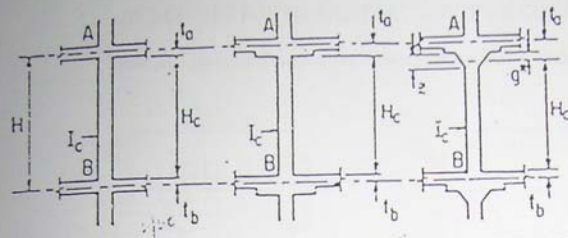


**LAMPIRAN A****TABEL KONSTANTA UNTUK MOMEN DISTRIBUSI**

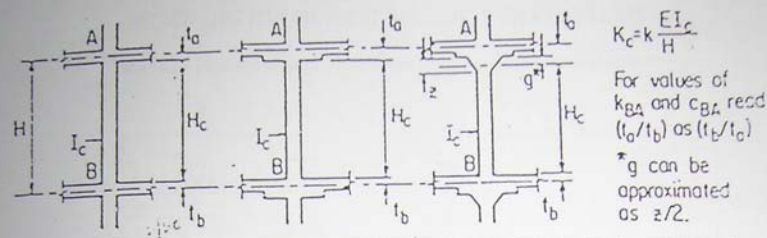
Table A7—Stiffness and Carry-Over Factors for Columns



$K_c = k \frac{EI_c}{H}$   
 For values of  $k_{BA}$  and  $k_{AB}$  read  $(I_a/I_b)$  as  $(I_b/I_a)$   
 $^*g$  can be approximated as  $z/2$ .

$I_a/I_b$	$k_{BA}$	$k_{AB}$	1.05	1.10	1.15	1.20	1.25	1.30	1.35	1.40	1.45	1.50
0.00	$k_{AB}$ 4.24	$k_{BA}$ 4.57	4.44	4.44	4.44	4.44	4.44	4.44	4.44	4.44	4.44	4.44
0.2	4.31	4.62	4.95	5.30	5.65	6.02	6.40	6.79	7.20	7.62	8.05	8.49
0.4	4.38	4.75	5.22	5.67	6.15	6.65	7.18	7.74	8.32	8.91	9.51	10.12
0.6	4.44	4.81	5.42	5.96	6.54	7.15	7.81	8.50	9.21	9.94	10.69	11.45
0.8	4.49	4.84	5.52	6.19	6.85	7.56	8.31	9.08	9.87	10.68	11.51	12.35
1.0	4.52	4.89	5.71	6.48	7.25	8.07	8.93	9.81	10.71	11.63	12.56	13.51
1.2	4.55	4.93	5.82	6.69	7.57	8.49	9.44	10.41	11.41	12.42	13.45	14.50
1.4	4.58	4.97	5.91	6.88	7.87	8.91	9.98	11.07	12.18	13.31	14.45	15.61
1.6	4.60	5.00	5.99	7.07	8.17	9.32	10.51	11.72	12.95	14.20	15.46	16.73
1.8	4.62	5.03	6.06	7.26	8.47	9.74	11.05	12.38	13.73	15.09	16.46	17.84
2.0	4.63	5.04	6.12	7.36	8.68	10.06	11.46	12.88	14.32	15.77	17.23	18.69
2.2	4.65	5.07	6.17	7.45	8.87	10.34	11.83	13.32	14.82	16.33	17.85	19.37
2.4	4.66	5.08	6.22	7.53	9.04	10.59	12.07	13.62	15.14	16.67	18.21	19.75
2.6	4.67	5.09	6.27	7.60	9.19	10.82	12.28	13.84	15.37	16.91	18.46	20.01
2.8	4.68	5.10	6.31	7.66	9.32	11.03	12.47	14.04	15.58	17.13	18.68	20.25
3.0	4.69	5.11	6.34	7.71	9.44	11.22	12.64	14.22	15.76	17.32	18.87	20.48
3.2	4.70	5.12	6.37	7.76	9.55	11.39	12.80	14.39	15.93	17.49	19.04	20.70
3.4	4.71	5.13	6.40	7.80	9.65	11.55	12.95	14.54	16.09	17.65	19.19	20.91
3.6	4.71	5.13	6.43	7.84	9.74	11.70	13.09	14.68	16.23	17.80	19.33	21.11
3.8	4.72	5.14	6.45	7.87	9.82	11.84	13.22	14.81	16.36	17.93	19.46	21.30
4.0	4.72	5.14	6.48	7.90	9.90	11.97	13.34	14.93	16.48	18.05	19.58	21.48
4.2	4.73	5.15	6.50	7.93	9.97	12.09	13.46	15.05	16.60	18.17	19.69	21.65
4.4	4.73	5.15	6.53	7.96	10.04	12.20	13.57	15.16	16.71	18.28	19.80	21.81
4.6	4.74	5.16	6.55	7.99	10.10	12.31	13.68	15.26	16.81	18.38	19.90	21.96
4.8	4.74	5.16	6.57	8.02	10.16	12.41	13.78	15.36	16.91	18.48	20.00	22.10
5.0	4.75	5.17	6.59	8.05	10.21	12.51	13.88	15.45	17.00	18.57	20.09	22.24
5.2	4.75	5.17	6.62	8.08	10.26	12.61	13.97	15.54	17.09	18.66	20.18	22.37
5.4	4.76	5.18	6.64	8.11	10.31	12.70	14.06	15.63	17.18	18.75	20.27	22.50
5.6	4.76	5.18	6.67	8.14	10.36	12.80	14.15	15.72	17.27	18.84	20.36	22.62
5.8	4.77	5.19	6.69	8.17	10.40	12.89	14.24	15.81	17.36	18.93	20.45	22.74
6.0	4.77	5.19	6.72	8.20	10.45	12.98	14.33	15.90	17.45	19.02	20.54	22.86
6.2	4.78	5.20	6.74	8.23	10.50	13.07	14.42	16.00	17.54	19.11	20.63	22.97
6.4	4.78	5.20	6.77	8.26	10.55	13.16	14.51	16.09	17.63	19.20	20.72	23.08
6.6	4.79	5.21	6.79	8.29	10.60	13.25	14.60	16.18	17.72	19.29	20.81	23.19
6.8	4.79	5.21	6.82	8.32	10.65	13.34	14.69	16.27	17.81	19.38	20.90	23.30
7.0	4.80	5.22	6.84	8.35	10.70	13.43	14.78	16.36	17.90	19.47	21.00	23.41

Table A7—Stiffness and Carry-Over Factors for Columns



$K_c = k \frac{EI_c}{H}$   
 For values of  $k_{BA}$  and  $c_{BA}$ , read  $(I_a/I_b)$  as  $(I_b/I_a)$   
 \*g can be approximated as  $z/2$ .

$H_c/L$	$H_c/L$	1.05	1.10	1.15	1.20	1.25	1.30	1.35	1.40	1.45	1.50
0.00	$k_{AB}$	4.24	4.44	4.64	4.84	5.04	5.24	5.44	5.64	5.84	6.04
	$c_{AB}$	0.37	0.41	0.45	0.49	0.53	0.57	0.61	0.65	0.69	0.73
0.2	$k_{AB}$	4.31	4.62	4.95	5.30	5.65	6.02	6.40	6.79	7.20	7.62
	$c_{AB}$	0.56	0.62	0.68	0.74	0.80	0.85	0.91	0.96	1.01	1.07
0.4	$k_{AB}$	4.36	4.75	5.22	5.67	6.15	6.65	7.18	7.74	8.32	8.94
	$c_{AB}$	0.55	0.60	0.65	0.70	0.74	0.79	0.83	0.87	0.91	0.94
0.6	$k_{AB}$	4.44	4.91	5.42	5.96	6.54	7.15	7.81	8.50	9.23	10.01
	$c_{AB}$	0.55	0.59	0.63	0.67	0.70	0.74	0.77	0.80	0.83	0.85
0.8	$k_{AB}$	4.48	5.01	5.52	6.09	6.71	7.36	8.05	8.79	9.56	10.38
	$c_{AB}$	0.54	0.58	0.61	0.64	0.67	0.70	0.72	0.75	0.77	0.79
1.0	$k_{AB}$	4.52	5.05	5.57	6.14	6.76	7.43	8.14	8.89	9.68	10.51
	$c_{AB}$	0.54	0.57	0.60	0.62	0.65	0.67	0.69	0.71	0.73	0.74
1.2	$k_{AB}$	4.55	5.15	5.67	6.24	6.87	7.57	8.31	9.08	9.89	10.74
	$c_{AB}$	0.53	0.56	0.59	0.61	0.63	0.65	0.66	0.68	0.69	0.70
1.4	$k_{AB}$	4.56	5.21	5.71	6.28	6.92	7.64	8.40	9.19	10.01	10.87
	$c_{AB}$	0.53	0.55	0.58	0.60	0.61	0.63	0.64	0.65	0.66	0.67
1.6	$k_{AB}$	4.60	5.26	5.75	6.32	6.97	7.70	8.48	9.29	10.13	11.01
	$c_{AB}$	0.53	0.55	0.57	0.59	0.60	0.61	0.62	0.63	0.64	0.65
1.8	$k_{AB}$	4.62	5.30	5.78	6.35	7.01	7.75	8.55	9.38	10.24	11.14
	$c_{AB}$	0.52	0.55	0.56	0.58	0.59	0.60	0.61	0.61	0.62	0.62
2.0	$k_{AB}$	4.53	5.34	5.82	6.39	7.06	7.81	8.62	9.47	10.35	11.27
	$c_{AB}$	0.52	0.54	0.56	0.57	0.58	0.59	0.59	0.60	0.60	0.61
2.2	$k_{AB}$	4.65	5.37	5.85	6.42	7.10	7.86	8.68	9.54	10.43	11.36
	$c_{AB}$	0.52	0.54	0.55	0.56	0.57	0.58	0.58	0.59	0.59	0.59
2.4	$k_{AB}$	4.66	5.40	5.88	6.45	7.14	7.91	8.74	9.61	10.51	11.44
	$c_{AB}$	0.52	0.53	0.54	0.55	0.56	0.57	0.57	0.58	0.58	0.58
2.6	$k_{AB}$	4.67	5.42	5.90	6.47	7.17	7.95	8.79	9.67	10.57	11.51
	$c_{AB}$	0.52	0.53	0.54	0.55	0.56	0.56	0.56	0.57	0.57	0.57
2.8	$k_{AB}$	4.66	5.44	5.92	6.49	7.20	8.00	8.85	9.74	10.65	11.59
	$c_{AB}$	0.52	0.53	0.54	0.54	0.55	0.55	0.55	0.56	0.56	0.56
3.0	$k_{AB}$	4.69	5.46	5.94	6.51	7.23	8.04	8.90	9.80	10.72	11.67
	$c_{AB}$	0.52	0.53	0.54	0.54	0.55	0.55	0.55	0.55	0.55	0.55
3.2	$k_{AB}$	4.70	5.48	5.96	6.53	7.26	8.08	8.95	9.86	10.79	11.74
	$c_{AB}$	0.52	0.53	0.53	0.54	0.54	0.54	0.54	0.54	0.54	0.54
3.4	$k_{AB}$	4.71	5.50	5.98	6.55	7.29	8.12	9.00	9.92	10.86	11.82
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.53	0.53	0.53	0.54	0.54	0.54	0.54	0.54
3.6	$k_{AB}$	4.71	5.51	6.00	6.57	7.32	8.16	9.05	9.98	10.93	11.90
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53
3.8	$k_{AB}$	4.72	5.52	6.02	6.59	7.35	8.20	9.10	10.04	11.00	11.97
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53	0.53
4.0	$k_{AB}$	4.72	5.54	6.04	6.61	7.38	8.24	9.14	10.09	11.06	12.04
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.52	0.53	0.53	0.53	0.52	0.52	0.52	0.51
4.2	$k_{AB}$	4.73	5.55	6.07	6.64	7.41	8.28	9.18	10.14	11.12	12.11
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.52	0.52	0.52	0.52	0.52	0.51	0.51	0.51
4.4	$k_{AB}$	4.73	5.56	6.09	6.66	7.44	8.32	9.22	10.19	11.18	12.17
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.52	0.52	0.52	0.52	0.51	0.51	0.51	0.50
4.6	$k_{AB}$	4.74	5.57	6.11	6.68	7.47	8.36	9.26	10.23	11.22	12.21
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.52	0.52	0.52	0.52	0.51	0.51	0.51	0.50
4.8	$k_{AB}$	4.74	5.56	6.13	6.70	7.50	8.40	9.30	10.27	11.26	12.25
	$c_{AB}$	0.51	0.52	0.52	0.52	0.52	0.51	0.51	0.51	0.50	0.49
5.0	$k_{AB}$	4.75	5.55	6.14	6.71	7.51	8.42	9.32	10.29	11.28	12.27
	$c_{AB}$	0.51	0.51	0.51	0.51	0.51	0.51	0.51	0.50	0.49	0.48
5.2	$k_{AB}$	4.75	5.63	6.15	6.72	7.52	8.44	9.34	10.31	11.30	12.29
	$c_{AB}$	0.51	0.51	0.51	0.51	0.51	0.50	0.49	0.49	0.48	0.47
5.4	$k_{AB}$	4.76	5.66	6.15	6.73	7.53	8.46	9.36	10.33	11.31	12.30
	$c_{AB}$	0.51	0.51	0.51	0.50	0.50	0.50	0.49	0.48	0.48	0.47
5.6	$k_{AB}$	4.76	5.66	6.15	6.73	7.53	8.47	9.37	10.34	11.32	12.31
	$c_{AB}$	0.51	0.51	0.51	0.50	0.50	0.49	0.48	0.48	0.47	0.46
5.8	$k_{AB}$	4.76	5.65	6.15	6.73	7.53	8.47	9.37	10.34	11.32	12.31
	$c_{AB}$	0.50	0.50	0.50	0.50	0.49	0.48	0.47	0.46	0.45	0.44
6.0	$k_{AB}$	4.76	5.65	6.15	6.73	7.53	8.47	9.37	10.34	11.32	12.31
	$c_{AB}$	0.50	0.50	0.50	0.49	0.48	0.47	0.46	0.45	0.44	0.43

**LAMPIRAN B**  
**PROGRAM ALGORITMA CONTOH SEDERHANA**

```

%=====
=====
% Algoritma Genetika Standar (dengan grafis 2D) terdiri dari:
%
% 1. Satu populasi dengan UkPop kromosom
% 2. Binary encoding
% 3. Linear fitness ranking
% 4. Roulette-wheel selection
% 5. Pindah silang satu titik potong
% 6. Probabilitas pindah silang dan probabilitas mutasi bernilai tetap
% 7. Elitisme, satu atau dua buah kopi dari individu bernilai fitness
% tertinggi
% 8. Generational replacement : mengganti semua individu dengan individu
% baru
%=====
=====
%
% Clc % Me-refresh command window
clear all % Menghapus semua variabel yang sedang aktif
%
Nvar = 2; % Jumlah variabel pada fungsi yang dioptimasi
Nbit = 10; % Jumlah bit yang mengkodekan satu variabel
JumGen = Nbit*Nvar; % Jumlah gen dalam kromosom
Rb = -5.12; % Batas bawah interval
Ra = 5.12; % Batas atas interval
%
UkPop = 200; % Jumlah kromosom dalam populasi
Psilang = 0.8; % Probabilitas pindah silang
Pmutasi = 0.05; % Probabilitas mutasi
MaxG = 100; % Jumlah generasi
%
BilKecil = 10^-1; % Digunakan untuk menghindari pembagian dengan
0
Fthreshold = 1/BilKecil; % Threshold untuk nilai Fitness
Bgraf = Fthreshold; % Untuk menangani tampilan grafis
%
% Inisialisasi grafis 2D
%
hfig = figure;
hold on
title ('Optimasi fungsi menggunakan AG standar dengan grafis 2 dimensi')
set(hfig, 'position', [50,50,600,400]);
set(hfig, 'DoubleBuffer', 'on');
axis([1 MaxG 0 Bgraf]);
hbestplot = plot(1:MaxG, zeros(1,MaxG));
htext1 = text(0.6*MaxG,0.25*Bgraf,sprintf('Fitness terbaik : %7.4f', 0.0));
htext2 = text(0.6*MaxG,0.20*Bgraf,sprintf('Variabel X1 : %5.4f', 0.0));
htext3 = text(0.6*MaxG,0.15*Bgraf,sprintf('Variabel X2 : %5.4f', 0.0));

```

```

htext4 = text(0.6*MaxG,0.10*Bgraf,sprintf('Nilai minimum : %5.4f', 0.0));
xlabel('Generasi');
ylabel('Fitness terbaik');
hold off
drawnow;
%
% Inialisasi Populasi
%
Populasi = InialisasiPopulasi(UkPop,JumGen);
%
% Loop evolusi
%
for generasi = 1:MaxG,
    x = DekodekanKromosom(Populasi(1,:),Nvar,Nbit,Ra,Rb);
    Fitness(1) = EvaluasiIndividu(x,BilKecil);
    MaxF = Fitness(1);
    MinF = Fitness(1);
    IndeksIndividuTerbaik = 1;
    for ii = 2:UkPop,
        Kromosom = Populasi(ii,:);
        x = DekodekanKromosom(Kromosom,Nvar,Nbit,Ra,Rb);
        Fitness(ii) = EvaluasiIndividu(x,BilKecil);
        if (Fitness(ii) > MaxF),
            MaxF = Fitness(ii);
            IndeksIndividuTerbaik = ii;
            BestX = x;
        end
        if (Fitness(ii) < MinF),
            MinF = Fitness(ii);
        end
    end
end
%
% Penanganan grafis 2D
%
plotvector = get(hbestplot, 'YData');
plotvector(generasi) = MaxF;
set(hbestplot, 'YData', plotvector);
set(htext1, 'String', sprintf('Fitness terbaik : %7.4f', MaxF));
set(htext2, 'String', sprintf('Variabel X1   : %5.4f', BestX(1)));
set(htext3, 'String', sprintf('Variabel X2   : %5.4f', BestX(2)));
set(htext4, 'String', sprintf('Nilai minimum  : %5.4f', (1/MaxF)-BilKecil));
%
if MaxF >= Fthreshold,
    break;
end
%
TemPopulasi = Populasi;
%
```

```

% Elitisme:
% - Buat satu kopi kromosom terbaik jika ukuran populasi ganjil
% - Buat dua kopi kromosom terbaik jika ukuran populasi genap
%
if mod(UkPop,2) == 0,           % ukuran populasi genap
    IterasiMulai = 3;
    TemPopulasi(1,:) = Populasi(IndeksIndividuTerbaik,:);
    TemPopulasi(2,:) = Populasi(IndeksIndividuTerbaik,:);
else
    IterasiMulai = 2;
    TemPopulasi(1,:) = Populasi(IndeksIndividuTerbaik,:);
end
end
%
LinearFitness = LinearFitnessRanking(UkPop,Fitness,MaxF,MinF);
%
% Roulette-wheel dan pindah silang
%
for jj = IterasiMulai:2:UkPop,
    IP1 = RouletteWheel(UkPop,LinearFitness);
    IP2 = RouletteWheel(UkPop,LinearFitness);
    if(rand < Psilang),
        Anak = PindahSilang(Populasi(IP1,:),Populasi(IP2,:),JumGen);
        TemPopulasi(jj,:) = Anak(1,:);
        TemPopulasi(jj+1,:) = Anak(2,:);
    else
        TemPopulasi(jj,:) = Populasi(IP1,:);
        TemPopulasi(jj+1,:) = Populasi(IP2,:);
    end
end
end
%
% Mutasi dilakukan pada semua kromosom
for kk = IterasiMulai:UkPop,
    TemPopulasi(kk,:) = Mutasi(TemPopulasi(kk,:),JumGen,Pmutasi);
end
%
% Generational Replacement: mengganti semua kromosom sekaligus
%
Populasi = TemPopulasi;
end

%=====
=====
% Membangkitkan sejumlah UkPop kromosom, masing-masing kromosom
% berisi bilangan biner (0 dan 1) sejumlah JumGen
%
% Masukkan
% UkPop : ukuran populasi atau jumlah kromosom dalam populasi
% JumGen: jumlah gen dalam kromosom

```

```

%
% Keluaran
% Populasi : kumpulan kromosom, matriks berukuran UkPop x JumGen
%=====
=====

function Populasi = Inisialisasi(UkPop,JumGen)

Populasi = fix(2*rand(UkPop,JumGen));

%=====
=====
% Mendekodekan kromosom yang berisi bilangan biner menjadi individu x yang
% bernilai real dalam interval yang ditentukan (Ra,Rb)
%
% Masukan
% Kromosom : kromosom, matriks berukuran 1 x JumGen
% Nvar      : jumlah variabel
% Nbit      : jumlah bit yang mengkodekan satu variabel
% Ra        : batas atas interval
% Rb        : batas bawah interval
%
% Keluaran
% x : individu hasil decode kromosom
%=====
=====

function x = DekodekanKromosom(Kromosom,Nvar,Nbit,Ra,Rb)

for ii = 1:Nvar,
    x(ii) = 0;
    for jj = 1:Nbit,
        x(ii) = x(ii) + Kromosom((ii-1)*Nbit + jj)*2^(-jj);
    end
    x(ii) = Rb + (Ra-Rb)*x(ii);
end

%=====
=====
% Mengevaluasi individu sehingga didapatkan nilai fitness-nya
%
% Masukan
% x      : individu
% BilKecil : bilangan kecil digunakan untuk menghindari pembagian
%          dengan 0
%
% Keluaran
% fitness : nilai fitness

```



```

%=====
=====

function fitness = EvaluasiIndividu(x, BilKecil)

fitness = 1/((1000*(x(1) - 2*x(2))^2 + (1 - x(1))^2) + BilKecil);

%=====
=====
% Menskalakan nilai fitness ke dalam ranking sehingga diperoleh
% nilai-nilai fitness baru yang berada dalam rentang (MaxF,MinF)
%
% Masukan
% UkPop : ukuran populasi atau jumlah kromosom dalam populasi
% Fitness : nilai fitness, matriks ukuran 1 x UkPop
% MaxF : nilai fitness maximum
% MinF : nilai fitness minimum
%
% Keluaran
% LFR : Linear Fitness Ranking
%
%=====
=====

function LFR = LinearFitnessRanking(UkPop,Fitness,MaxF,MinF)

[SF,IndF] = sort(Fitness);

for rr = 1:UkPop,
    LFR(IndF(UkPop-rr+1)) = MaxF-(MaxF-MinF)*((rr-1)/(UkPop-1));
End

%=====
=====
% Memilih orang tua menggunakan LinearFitness, yaitu nilai fitness hasil
% pen-skala-an. Pemilihan dilakukan secara proporsional sesuai dengan
% nilai fitness-nya
%
% Masukan
% UkPop : ukuran populasi atau jumlah kromosom dalam populasi
% LinearFitness : nilai fitness yang sudah di-skala-kan
%
% Keluaran
% Pindex : indeks dari kromosom yang terpilih (bernilai 1 sampai UkPop)
%=====
=====

function Pindex = RoulettWheel(UkPop,LinearFitness);

```

```

JumFitness = sum(LinearFitness);
KumulatifFitness = 0;
RN = rand;
ii =1;

while ii <= UkPop,
    KumulatifFitness = KumulatifFitness + LinearFitness(ii);
    if (KumulatifFitness/JumFitness) > RN,
        Pindex = ii;
        break;
    end
    ii = ii + 1;
end

%=====
=====
% Memindah-silangkan bagian kromosom Bapak dan Ibu yang dipotong
% secara random, sehingga dihasilkan dua buah kromosom Anak
%
% Masukan
% Bapak : kromosom, matriks berukuran 1 x JumGen
% Ibu   : kromosom, matriks berukuran 1 x JumGen
% JumGen : jumlah gen
%
% Keluaran
% Anak : kromosom hasil pindah silang, matriks berukuran 1 x JumGen
%=====
=====

function Anak = PindahSilang(Bapak,Ibu,JumGen);

TP = 1 + fix(rand*(JumGen-1));
Anak(1,:) = [Bapak(1:TP) Ibu(TP+1:JumGen)];
Anak(2,:) = [Ibu(1:TP) Bapak(TP+1:JumGen)];

%=====
=====
% Mutasi gen dengan probabilitas sebesar Pmutasi
% Gen-gen yang terpilih diubah nilainya: 0 menjadi 1, dan 1 menjadi 0
%
% Masukan
% Kromosom : kromosom, matriks berukuran 1 x JumGen
% JumGen   : jumlah gen
% Pmutasi  : probabilitas mutasi
%
% Keluaran
% MutKrom : kromosom hasil mutasi, matriks berukuran 1 x JumGen

```

```

%=====
=====

function MutKrom = Mutasi(Kromosom,JumGen, Pmutasi);

MutKrom = Kromosom;
for ii = 1:JumGen,
    if (rand < Pmutasi),
        if Kromosom(ii) == 0,
            MutKrom(ii) = 1;
        else
            MutKrom(ii) = 0;
        end
    end
end
end

%=====
=====
% Mencari parameter optimal: ukuran populasi dan probabilitas mutasi
%
% Pencarian parameter optimal dilakukan dengan mengkombinasikan kedua
% parameter tersebut. Dalam observasi ini, digunakan empat nilai untuk
% masing-masing parameter, sehingga diperoleh 16 kombinasi
% Nilai untuk kedua parameter adalah sebagai berikut:
% - UkPop : 50, 100, 200 dan 400
% - Pmutasi : 0.01, 0.05, 0.1 dan 0.2
%
%=====
=====
%
clc % Me-refresh command window
clear all % Menghapus semua variabel yang sedang aktif
%
Nvar = 2; % Jumlah variabel pada fungsi yang dioptimasi
Nbit = 10; % Jumlah bit yang mengkodekan satu variabel
JumGen = Nbit*Nvar; % Jumlah gen dalam kromosom
Rb = -5.12; % Batas bawah interval
Ra = 5.12; % Batas atas interval
%
Psilang = 0.8; % Probabilitas pindah silang
MaxJumInd = 60000; % Jumlah generasi
%
BilKecil = 10^-1; % Digunakan untuk menghindari pembagian dengan
0
Fthreshold = 1/BilKecil; % Threshold untuk nilai Fitness
Bgraf = Fthreshold; % Untuk menangani tampilan grafis
%

```

```

ObUkPop = [50 100 200 400]; % Ukuran populasi yang diobservasi
ObPmutasi = [0.01 0.05 0.1 0.2] % Probabilitas mutasi yang diobservasi
%
ObData = []; % Data hasil observasi
%
for ukp = 1:length(ObUkPop),
    UkPop = ObUkPop(ukp);
    MaxG = fix(MaxJumInd/UkPop);
    for pm = 1:length(ObPmutasi),
        Pmutasi = ObPmutasi(pm);
        for observasi = 1:10,
            UkPop, Pmutasi, observasi
            %
            % Inisialisasi Populasi
            %
            Populasi = InisialisasiPopulasi(UkPop,JumGen);
            %
            % Loop evolusi
            %
            for generasi = 1:MaxG,
                x = DekodekanKromosom(Populasi(1,:),Nvar,Nbit,Ra,Rb);
                Fitness(1) = EvaluasiIndividu(x,BilKecil);
                MaxF = Fitness(1);
                MinF = Fitness(1);
                IndeksIndividuTerbaik = 1;
                for ii = 2:UkPop,
                    Kromosom = Populasi(ii,:);
                    x = DekodekanKromosom(Kromosom,Nvar,Nbit,Ra,Rb);
                    Fitness(ii) = EvaluasiIndividu(x,BilKecil);
                    if (Fitness(ii) > MaxF),
                        MaxF = Fitness(ii);
                        IndeksIndividuTerbaik = ii;
                        BestX = x;
                    end
                    if (Fitness(ii) < MinF),
                        MinF = Fitness(ii);
                    end
                end
            end
            %
            TemPopulasi = Populasi;
            %
            % Elitisme:
            % - Buat satu kopi kromosom terbaik jika ukuran populasi ganjil
            % - Buat dua kopi kromosom terbaik jika ukuran populasi genap
            %
            if mod(UkPop,2) == 0, % ukuran populasi genap
                IterasiMulai = 3;
                TemPopulasi(1,:) = Populasi(IndeksIndividuTerbaik,:);
            end
        end
    end
end

```

```

    TemPopulasi(2,:) = Populasi(IndeksIndividuTerbaik,:);
else
    IterasiMulai = 2;
    TemPopulasi(1,:) = Populasi(IndeksIndividuTerbaik,:);
end
%
LinearFitness = LinearFitnessRanking(UkPop,Fitness,MaxF,MinF);
%
% Roulette-wheel dan pindah silang
%
for jj = IterasiMulai:2:UkPop,
    IP1 = RouletteWheel(UkPop,LinearFitness);
    IP2 = RouletteWheel(UkPop,LinearFitness);
    if(rand < Psilang),
        Anak = PindahSilang(Populasi(IP1,:),Populasi(IP2,:),JumGen);
        TemPopulasi(jj,:) = Anak(1,:);
        TemPopulasi(jj+1,:) = Anak(2,:);
    else
        TemPopulasi(jj,:) = Populasi(IP1,:);
        TemPopulasi(jj+1,:) = Populasi(IP2,:);
    end
end
%
% Mutasi dilakukan pada semua kromosom
%
for kk = IterasiMulai:UkPop,
    TemPopulasi(kk,:) = Mutasi(TemPopulasi(kk,:),JumGen,Pmutasi);
end
%
% Generational Replacement: mengganti semua kromosom sekaligus
%
Populasi = TemPopulasi;
%
if MaxF >= Fthreshold,
    JumIndData(observasi) = generasi*UkPop;
    MaxFData(observasi) = MaxF;
    break;
else
    if generasi == MaxG,
        JumIndData(observasi) = MaxG*UkPop;
        MaxFData(observasi) = MaxF;
    end
end
%
end % loop evolusi
end % loop observasi
%
ObData = [ObData ; [UkPop Pmutasi mean(MaxFData) ...

```

```

        mean(JumIndData)]];
    end
end
%
save ObData.mat ObData
%
clc          % me-refresh layar
%
disp(['Mencari nilai optimal : Ukuran Populasi dan Prob. Mutasi']);
disp(['Jumlah maksimum individu yang dievaluasi adalah ', ...
      num2str(MaxJumInd)]);
disp(['          ']);
disp(['-----']);
disp(['Ukuran  Probabilitas  Rata-rata  Rata-rata  ']);
disp(['Populasi  mutasi      Fitness  Jumlah individu']);
disp(['-----']);
%
for ii = 1:length(ObData(:,1)),
    disp([' ', num2str(ObData(ii,1)), ' ', num2str(ObData(ii,2)), ...
          ' ', num2str(ObData(ii,3)), ' ', num2str(ObData(ii,4))]);
end
disp(['-----']);

```